

## Investigadores de la Complutense participan en el análisis científico del brote de peste porcina africana detectado en Cataluña

- “Un equipo multidisciplinar, liderado por la Universidad Complutense de Madrid (UCM), trabaja en el análisis del brote detectado en el Parc Natural de Collserola, aportando modelos avanzados de simulación y análisis epidemiológicos que permiten anticipar escenarios, evaluar riesgos y apoyar la toma de decisiones para frenar la expansión del virus. Se presta apoyo a responsables, actores clave y especialistas del sector mediante la generación y transferencia de información técnica y conocimiento aplicado.”
- Entre los participantes se encuentran Jaime Bosch y Cecilia Aguilar (antiguos miembros de la UCM y VISAVET), así como Benjamín Ivorra, Ángel Manuel Ramos y José Manuel Sánchez-Vizcaíno (UCM), investigadores de referencia en el estudio de enfermedades de gran impacto sanitario y ambiental.

Madrid, 15 de diciembre de 2025.- Investigadores de la Universidad Complutense de Madrid (UCM) colaboran activamente en el análisis del brote de peste porcina africana (PPA) declarado recientemente en la sierra del *Parc Natural de Collserola* (Barcelona, Cataluña). Ante la gravedad de la situación epidemiológica, las autoridades han desplegado un amplio dispositivo para rastrear cadáveres de jabalí, controlar accesos y desinfectar áreas críticas, con el objetivo de frenar la expansión del virus.

En este contexto, el equipo en el que participa la Universidad Complutense de Madrid ha aplicado herramientas de modelización previamente desarrolladas, en particular el modelo **WIMBOARD** (*Wild Integrated Movement Boar Outbreak And Risk Dynamics*), diseñado para estudiar la propagación y el control de la PPA en poblaciones de jabalí silvestre. Con esta herramienta, los investigadores generan información técnica y conocimiento aplicado que permite analizar la posible evolución del brote, identificar zonas de riesgo, tanto para las poblaciones de jabalí como para las explotaciones porcinas del entorno, y evaluar la eficacia potencial de diferentes medidas de control, poniendo estos resultados a disposición de responsables y especialistas del sector.

Este trabajo se sustenta en la experiencia previa del proyecto europeo **VACDIVA** (*A safe DIVA vaccine for African Swine Fever control and eradication*), centrado en el desarrollo de vacunas y estrategias de control avanzadas frente a la PPA. El equipo multidisciplinar está integrado por especialistas del Instituto de Matemática Interdisciplinar (IMI) de la UCM, así como expertos en biología, ecología, fauna silvestre, veterinaria y epidemiología de la UCM y del centro de vigilancia sanitaria veterinaria (VISAVET). Entre los participantes se encuentran Jaime Bosch, Benjamín Ivorra, Cecilia Aguilar, Ángel Manuel Ramos y José Manuel Sánchez-Vizcaíno,

investigadores de referencia en el estudio de enfermedades de gran impacto sanitario y ambiental.

Las herramientas de simulación utilizadas permiten **anticipar la evolución del brote a corto y medio plazo**, comparar distintos escenarios epidemiológicos y valorar la eficacia de medidas de control actualmente implantadas en Europa. Estos análisis proporcionan **información técnica esencial** para ayudar en la toma de decisiones de gestión y adaptar las actuaciones en función de la evolución real del brote.

**La PPA es una enfermedad vírica que afecta exclusivamente a cerdos domésticos y jabalíes, sin implicaciones para la salud humana.** Su contención rápida es fundamental para proteger al sector ganadero, especialmente en un país como España, donde la producción porcina representa un pilar clave de la industria agroalimentaria y del comercio exterior. Un brote en una explotación de cerdo o un caso de PPA no controlado en las poblaciones de jabalíes, fuera de la zona de contención de la infección reciente, puede generar restricciones sanitarias aún mayores a las actuales y afectar temporalmente aún más a las exportaciones, lo que refuerza la necesidad de contar con **herramientas científicas capaces de anticipar riesgos y planificar respuestas eficaces.**

Con esta participación, la **Universidad Complutense de Madrid reafirma su compromiso con la sociedad**, aportando **conocimiento experto y soluciones tecnológicas avanzadas** que contribuyen al esfuerzo colectivo **para contener la enfermedad y mitigar sus posibles consecuencias.**

**Referencia científica** *Epidemiological impacts of attenuated African swine fever virus circulating in wild boar populations.* M. Martínez Avilés, J. Bosch, B. Ivorra, Á.M. Ramos, S. Ito, J.Á. Barasona, J.M. Sánchez-Vizcaíno. *Research in Veterinary Science*, 162, 104964, 2023. DOI: <https://doi.org/10.1016/j.rvsc.2023.104964>



**Figura 1.** Logotipo del modelo **WIMBOARD**, desarrollado para el estudio de la propagación y el control de la peste porcina africana en poblaciones de jabalí silvestre.



**Figura 2.** Imagen de jabalíes captada durante los estudios de campo realizados en el marco del proyecto europeo **VACDIVA**, orientados a la vigilancia y análisis de la peste porcina africana en fauna silvestre.