

## Destacados científicos españoles involucrados en el Proyecto *ENCODE* darán a conocer en la Complutense el funcionamiento de esta gran '*Encyclopedia of DNA Elements*'

El proyecto, que ha combinado los esfuerzos de 442 científicos en 32 laboratorios en el Reino Unido, EEUU, Singapur, Japón, Suiza y España, ha involucrado a una veintena de investigadores españoles.

La jornada tendrá lugar el 4 de marzo, en el salón de actos de la Facultad de Ciencias Biológicas (Ciudad Universitaria)

**Madrid, 1 de marzo de 2013.** Los científicos **Roderic Guigó**, coordinador del programa de Bioinformática y Genómica del CRG y coordinador del grupo de análisis de ARN de ENCODE; **Alfonso Valencia**, del Instituto Nacional de Bioinformática, (INB) y director Structural Biology and Biocomputing Programme Spanish National Cancer Research Centre (CNIO) y, **Francisco J. del Castillo**, de la Unidad de Genética Molecular, Hospital Ramón y Cajal, IRYCYS, de Madrid, darán a conocer el **lunes 4 de marzo**, el funcionamiento de esta gran enciclopedia de ADN humano, *ENCODE*.

La jornada, organizada por el profesor **César Benito**, del departamento de Genética de la UCM, se desarrollará en dos sesiones, la primera **a partir de las 9.30 h, en el aula 1007 del Edificio Multiusos de la UCM** y, la segunda **a partir de las 15 h, en el salón de actos de la Facultad de Ciencias Biológicas (Ciudad Universitaria)**.

*ENCODE* presenta un mapa detallado de la función del genoma que identifica 4 millones de interruptores de genes. Esta referencia esencial permite a los investigadores localizar áreas muy específicas de enfermedades humanas. Este proyecto está liderado por el *National Genome Research Institute* (NHGRI) en EEUU y el *EMBL-European Bioinformatics Institute* (EMBL-EBI) en Reino Unido.

Programa en: <http://biologicas.ucm.es/data/cont/media/www/57//ENCODE.pdf>